

中国土壤学会

“第二届微生物生态与生物信息技术研讨会”

(南京, 2015年2月2日-5日)

主办单位: 中国土壤学会土壤生物与生物化学专业委员会

承办单位: 中国科学院南京土壤研究所
土壤与农业可持续发展国家重点实验室
中国科学院战略性先导科技专项（B类）——“土壤-微生物系统功能及其调控”

热烈欢迎各位专家学者参加由中国土壤学会土壤生物与生物化学专业委员会主办的“第二届微生物生态与生物信息技术研讨会”。组委会将竭力为各位代表提供会议服务，做好组织工作。请各位与会者按照会议日程合理安排时间，祝您在南京过得愉快！

会议注意事项：

1. 为了保持良好的会场秩序，请与会者将手机调为“震动”或“静音”，请勿在会场中接听电话或大声交谈。
2. 参会证是您参加会议的唯一有效凭证，参会时请随身携带。
3. 如参加生物信息分析培训，请您提前将所需软件和数据文件拷贝至电脑，并保持电脑电量充足。
4. 会议通知和合影照片会在会后发送至参会者邮箱，如有特殊需要请提前告知。

会务组联系方式：

| | |
|-----------------|-----------------|
| 时 玉 18761856785 | 倪盈盈 13675118655 |
| 孙瑞波 18505676523 | 何 聘 13913882875 |
| 申聪聪 15996314599 | 项兴佳 15805150232 |
| 杨 腾 13851572911 | 李云涛 15905153951 |
| 张考萍 13814001574 | |

Microbial Ecology Workshop

(Feb.3-4, 2015)

Place: Lecture Hall at 4th floor of Hui-Lian complex, Institute of Soil Science, Chinese Academy of Sciences (CAS)

地点: 中国科学院南京土壤研究所惠联大楼四楼礼堂

February 3 (morning), 2015

| | |
|-------------|---|
| 8:45 – 9:00 | Welcome address, Ganlin Zhang, Vice President of Institute of Soil Science Chair: Haiyan Chu (Institute of Soil Science, CAS) 褚海燕, 中国科学院南京土壤研究所 |
|-------------|---|

Keynote Speech (9:00-10:00)

Chair: Shuijin Hu (North Carolina State University, USA)

胡水金, 北卡州立大学

| | |
|--------------|--|
| 9:00 – 10:00 | <i>Adventures in our Microbial World</i> Jack Anthony Gilbert, Argonne National Laboratory |
|--------------|--|

| | |
|--------------|--|
| 10:00– 10:30 | <i>Group photo & Tea time</i> 所有与会人员在实验大楼门口合影 |
|--------------|--|

Keynote Speech (10:30-11:50)

Chair: Jack Anthony Gilbert, Argonne National Laboratory

| | |
|--------------|---|
| 10:30– 11:10 | <i>Mycorrhizal mediation of plant N acquisition under elevated CO₂</i> Shuijin Hu, North Carolina State University, USA 胡水金, 北卡州立大学 |
|--------------|---|

| | |
|--------------|---|
| 11:10– 11:50 | <i>Detecting temporal patterns of rarity to understand microbial community dynamics</i> Ashley Shade, Michigan State University |
|--------------|---|

| | |
|---------------|------------|
| 11:50 – 14:00 | Lunch Time |
|---------------|------------|

February 3th (afternoon), 2015

Invited Speech (14:00-15:30)

Chair: Ashley Shade, Michigan State University

| | |
|---------------|---|
| 14:00 – 14:30 | <i>An Introduction to Metagenomics</i> Christopher William Marshall, Argonne National Laboratory |
| 14:30 – 14:50 | <i>Diversity and phylogenetic structure of bacterial community in freshwater lakes along an elevation gradient</i> Qinglong Wu, Nanjing Institute of Geography & Limnology, CAS 吴庆龙, 中国科学院南京地理与湖泊研究所 |
| 14:50 – 15:10 | <i>Microbial diversity pattern along elevation in Changbai Mountain</i> Haiyan Chu, Institute of Soil Science, Chinese Academy of Sciences 褚海燕, 中国科学院南京土壤研究所 |
| 15:10 – 15:30 | <i>A metagenomics and networking survey of a mountainous microbial biogeography</i> Yunfeng Yang, Tsinghua University 杨云峰, 清华大学 |
| 15:30 – 15:45 | Tea time |

Invited speech (15:45-17:35)

Chair: Qinglong Wu, Nanjing Institute of Geography & Limnology, CAS

吴庆龙, 中国科学院南京地理与湖泊研究所

| | |
|---------------|---|
| 15:45 – 16:15 | <i>Microbial Interaction between Humans and the Built Environment</i> Simon Lax, Argonne National Laboratory |
| 16:15 – 16:35 | <i>Impact of agricultural practices on soil nitrifying and denitrifying communities and functions</i> Wenxue Wei, Institute of Subtropical Agriculture, CAS 魏文学, 中国科学院亚热带农业生态研究所 |
| 16:35 – 16:55 | <i>What are important drivers of ammonia oxidisers in acidic soils ?</i> Huaiying Yao, Institute of Urban Environment, CAS 姚槐应, 中国科学院城市环境研究所 |
| 16:55 – 17:15 | <i>Biodiversity and Multifunction of AM Fungi in the Farming-Pastoral Ecotone of Northern China</i> Baodong Chen, Research Center for Eco-Environmental Sciences, CAS 陈保东, 中国科学院生态环境研究中心 |
| 17:15 – 17:35 | <i>Potential carbon-utilization function of the bacterial community within cyanobacterial blooms in a eutrophic freshwater lake</i> Helong Jiang, Nanjing Institute of Geography & Limnology, CAS 江和龙, 中国科学院南京地理与湖泊研究所 |

February 4th (morning), 2015

Invited speech (9:00-10:30)

Chair: Naseer Sangwan, Argonne National Laboratory

| | |
|----------------------|--|
| 9:00– 9:30 | <i>Electromicrobiology: Redox Processes and the Environment (+bioenergy)</i> Christopher William Marshall, Argonne National Laboratory |
| 9:30– 9:50 | <i>Reduced uncertainty by random sampling of a single soil microbial communities</i> Zhongjun Jia, Institute of Soil Science, Chinese Academy of Sciences 贾仲君，中国科学院南京土壤研究所 |
| 9:50 – 10:00 | <i>Stable Isotope Technique as a Tool in Addressing Global Change Questions</i> Lei Cheng, Zhejiang University 程磊，浙江大学 |
| 10:10 – 10:30 | <i>Network succession reveals the importance of competition in response to vegetable oil amendment for uranium bioremediation</i> Ye Deng, Research Center for Eco-Environmental Sciences, CAS 邓晔，中国科学院生态环境研究中心 |
| 10:30 – 10:45 | Tea time |

Invited speech (10:45-11:45)

Chair: Wexxue Wei, Institute of Subtropical Agriculture, CAS

魏文学，中国科学院亚热带农业生态研究所

| | |
|----------------------|---|
| 10:45– 11:05 | <i>The Influence of Age and Gender on Skin-Associated Microbial Communities in Urban and Suburban Human Populations</i> Zhexue Quan, Fudan University 全哲学，复旦大学 |
| 11:05 – 11:25 | <i>The composition of a lignocellulose degrading microbial community MC1 and metagenomic analysis of cellulase gene</i> Xiaofeng Wang, China Agriculture University 王小芬，中国农业大学 |
| 11:25 – 11:45 | <i>Response of soil microbial activity to temperature rise and nutrient availability in different vegetation types of northern China</i> Wei Wang, Peiking University 王巍，北京大学 |

生物信息分析培训

(Feb.4-5, 2015)

地点：中国科学院南京土壤研究所惠联大楼四楼礼堂

2015年2月4日下午

邓晔，中国科学院生态环境研究中心

杨云锋课题组，清华大学；

北京诺禾致源生物信息科技有限公司

| | |
|---------------|------------------------------|
| 14:00 – 16:00 | GeoChip 介绍和数据分析 |
| 16:00– 16:15 | 茶歇 |
| 16:15– 17:00 | 宏基因组（Metagenomics）组装和基因预测的介绍 |

2015年2月5日上午

褚海燕课题组，中国科学院南京土壤研究所

北京诺禾致源生物信息科技有限公司

| | |
|---------------|--|
| 9:00– 10:20 | QIIME 和 Mothur 软件的使用及高通量数据分析(以 454 和 Miseq 数据分析为例) |
| 10:20– 10:30 | 茶歇 |
| 10:30– 11:15 | 多元统计分析在微生物群落分析中的应用 |
| 11:15 – 11:50 | 统计分析软件 R 的使用 |